





3.00 crédits	30.0 h + 10.0 h	Q1
--------------	-----------------	----

Enseignants	Gatto Laurent ;
Langue d'enseignement	Anglais
Lieu du cours	Bruxelles Woluwe
Thèmes abordés	This bioinformatics and high throughput biology data analysis course will teach how to analyse contemporary omics data using open source tools such as Bioconductor packages. At the end of the course, students will have analysed omics experiments, including data transformation and normalisation, and the statistical analysis and interpretation thereof.
Acquis d'apprentissage	<p>A la fin de cette unité d'enseignement, l'étudiant est capable de :</p> <p>A l'issue de ce cours, les étudiants auront analysé des données omiques haut débit, y compris les transformations et normalisation et l'analyses et l'interprétation statistique des celles-ci. Des jeux de données publics seront utilisés pour pratiquer en particulier</p> <ul style="list-style-type: none"> · L'assemblage et annotation de séquençage haut débit. · Des données de transcriptomique de microarrays et RNA-Seq. 1 · Des données de spectrométrie de masse et de protéomique quantitative. · Des données de spectrométrie de masse et de métabolomiques. · Des données épigénétiques de Chip-Seq. · Des données génomiques, y compris l'appel de variants et priorisation. · L'interrogation de bases de données publiques.
Faculté ou entité en charge:	SBIM

Programmes / formations proposant cette unité d'enseignement (UE)				
Intitulé du programme	Sigle	Crédits	Prérequis	Acquis d'apprentissage
Master [120] en sciences biomédicales	SBIM2M	3		
Master [120] en statistique, orientation biostatistiques	BSTA2M	3		
Master [120] : bioingénieur en chimie et bioindustries	BIRC2M	3		
Master [120] : ingénieur civil en informatique	INFO2M	3		
Master [120] en sciences informatiques	SINF2M	3		